|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **6月4日（星期五）开元名都大酒店四楼开元厅** | | | |
| **8:30-8:40 会议开幕式** | | | |
| **主持人:王二涛** | | | |
| **时间** | **题目** | **报告人** | **单位** |
| 8:40-9:05 | Organelle interaction networks in symbiotic cells during during symbiosome formation and nitrogen fixation | 孔照胜 | 山西农业大学/中国科学院微生物研究所 |
| 9:05-9:25 | An SHR–SCR module specifies legume cortical cell fate to enable nodulation | 董文涛 | 中国科学院分子植物科学卓越创新中心 |
| 9:25-9:45 | How auxin modulates soybean nodulation | 陈栩 | 福建农林大学 |
| 9:45-10:00 | Legume Plants Reactivate Cell Cycle Genes in Root Hairs to Make Intracellular Infection Threads | 高锦鹏 | 中国科学院分子植物科学卓越创新中心 |
| 茶歇及合影（10:00-10:30） | | | |
| **主持人:曹扬荣** | | | |
| 10:30-10:50 | Legume-Specific DMI2-SnRK1α4 Pathway Regulates Carbohydrate Metabolism For Nodule Morphology | 王涛 | 中国农业大学 |
| 10:50-11:10 | 侵染线形成与宿主亚细胞系统重塑 | 刘承武 | 中国科学技术大学 |
| 11:10-11:30 | RPG-CERBERUS mediates IT formation by affecting the stability of Exocyst subunits in *Lotus japonicus* | 李晓琳 | 中国科学院分子植物科学卓越创新中心 |
| 11:30-11:45 | 百脉根结瘤因子受体泛素化修饰的分子机制研究 | 李豪 | 华中农业大学 |
| 11:45-12:00 | Gene neo-functionization, co-option and transcriptome fine-tuning contributed to the stepwise evolution and diversification of root nodule symbioses | 张雨 | 中国农业科学院农业基因组研究所 |
| 午餐（12:00-13:30） | | | |
| **主持人:谢芳** | | | |
| **时间** | **题目** | **报告人** | **单位** |
| 13:30-13:55 | 大豆共生结瘤的遗传调控机制 | 李霞 | 华中农业大学 |
| 13:55-14:15 | N2-fixing nodule symbiosis: from phylodiverse species to a model system | 程时锋 | 中国农业科学院农业基因组研究所 |
| 14:15-14:35 | Legume hosts control infection thread-nodule cell release of rhizobia by fine-tuning the expression of LIN | 潘怀荣 | 湖南大学 |
| 14:35-14:50 | 苜蓿NCRs和植物免疫反应对紫花苜蓿品种-根瘤菌株共生专一性的影响 | 康文娟 | 甘肃农业大学 |
| 14:50-15:05 | Function and regulation mechanisms of dimeric E3 ligase SIE3 in nodulation in *Lotus japonicus* | 袁松丽 | 中国农业科学院油料作物研究所 |
| 15:05-15:10 | Brief Introduction of Molecular Plant and Plant Communications | 高乐旋 | MP/PCOM |
| 茶歇（15:10-15:30） | | | |
| **主持人:王忆平** | | | |
| 15:30-15:55 | NLPs in N2-fixation, at the crossroads of nitrate signalling and the hypoxic response | Jeremy Murray | 中国科学院分子植物科学卓越创新中心 |
| 15:55-16:15 | 从固氮酶催化活性中心的角度看如何提高豆科植物的固氮效率 | 周朝晖 | 厦门大学 |
| 16:15-16:35 | 豆血红蛋白及血红素代谢在根瘤固氮中的功能 | 端木德强 | 华中农业大学 |
| 16:35-16:55 | 大豆根瘤铁转运蛋白参与共生固氮的分子机制 | 陈志长 | 福建农林大学 |
| 16:55-17:10 | 从根瘤到茎瘤: OhrR调控ROS 实现高效固氮 | 司阳 | 南京农业大学 |
| 17:10-17:25 | The mechanism of abiotic stress regulating legume-rhizobium interaction and nodulation in soybean | 何春梅 | 河南大学 |
| 晚餐（17:30-20:00） | | | |
| **6月5日（星期六），开元名都大酒店四楼开元厅** | | | |
| **主持人:陈三凤** | | | |
| **时间** | **报告题目** | **报告人** | **单位** |
| 8:30-8:55 | 大豆-根瘤菌匹配性进化及其共生固氮机制 | 王学路 | 河南大学 |
| 8:55-9:15 | 田菁根瘤菌共生岛向根瘤菌和非根瘤菌水平转移的研究 | 钟增涛 | 南京农业大学 |
| 9:15-9:35 | 豆科植物LecRLK整合根瘤菌NopP和LPS信号以建立有效共生 | 李友国 | 华中农业大学 |
| 9:35-9:55 | 苜蓿中华根瘤菌细胞分裂调控 | 罗利 | 上海大学 |
| 9:55-10:15 | 大豆慢生型根瘤菌新的共生基因功能探究 | 魏敏 | 兰州大学 |
| 10:15-10:30 | 固氮施氏假单胞菌RNA分子伴侣Hfq的功能研究 | 吕翻洋 | 中国农业科学院生物技术研究所 |
| 茶歇（10:30-10:50） | | | |
| **主持人:谢祖彬** | | | |
| 10:50-11:15 | 大豆根瘤菌共生匹配性的遗传与演化 | 田长富 | 中国农业大学 |
| 11:15-11:30 | 定量微生物组学及其在菌根共生与根瘤共生在根际的互作研究 | 王孝林 | 中国科学院分子植物科学卓越创新中心 |
| 11:30-11:45 | 大豆根际微生物群落变化及其与根瘤菌共生效率的关系 | 韩琴 | 华中农业大学 |
| 11:45-12:00 | Precision Genotype-Dependent Microbial Effects in Foxtail Millet | 王亚玉 | 深圳华大生命科学研究院 |
| 午餐（12:00-13:30） | | | |
| **主持人:林敏** | | | |
| **时间** | **题目** | **报告人** | **单位** |
| 13:30-13:55 | 稻田生物固氮量、活跃固氮微生物及农艺措施影响 | 谢祖彬 | 中国科学院南京土壤研究所 |
| 13:55-14:15 | 多拷贝nifB基因在固氮中的作用 | 陈三凤 | 中国农业大学 |
| 14:15-14:35 | 田菁根瘤菌的宿主特异性分析及趋化功能研究 | 解志红 | 山东农业大学 |
| 14:35-14:50 | Genome resolved metagenomics reveals role of iron metabolism in drought-induced rhizosphere microbiome dynamics | 徐凌 | 中国农业大学 |
| 14:50-15:05 | 施氏假单胞菌非编码RNA在固氮基因表达调控中的研究及人工非编码RNA的设计 | 战嵛华 | 中国农业科学院生物技术研究所 |
| 15:05-15:20 | 根瘤菌多效转录调控因子MucR对共生固氮的调控机制 | 焦健 | 中国农业大学 |
| **闭幕式、颁奖** | | | |